Big Data in Medicine: Hype or Hope for the Patient?

Prof. Dr. Michael Krawczak

Institute of Medical Informatics and Statistics
Kiel University, Germany
TMF e.V., Berlin, Germany

Bone Innovation Summit 2019 Lübeck, 13-14 February 2019

Paradigms of Future Medicine

Translational Research

"In short, [translational research] is the process of turning appropriate biological discoveries into drugs and medical devices that can be used in the treatment of patients."

wikipedia.org

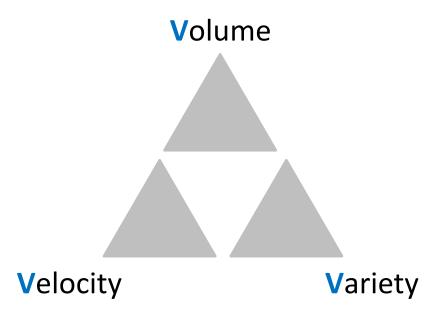
Precision Medicine

"Precision medicine is an emerging approach for disease treatment and prevention that takes into account individual variability in genes, environment, and lifestyle for each person."

What is "Big Data"?

"Big Data is high-volume, high-velocity and/or high-variety information assets that demand cost-effective, innovative forms of information processing that enable enhanced insight, decision making, and process automation."

Gartner IT Glossary





Rafael Behr on the culture wars consuming Cameron's Conservatives **Laurie Penny**

Remembering Emily Davison, the suffragette hero

Ed Smith

south

In Britain, as in cricket, rl

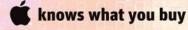
VewStatesm

How Big Data took over our liv

By Steven Poole

facebook knows what you like

Google knows what you wan



amazon knows what you rea

Microsoft knows where you li

PLUS Rhiannon Lucy Cosslett When should a woman have a baby?



Statistical and **Machine-Learning Data Mining**

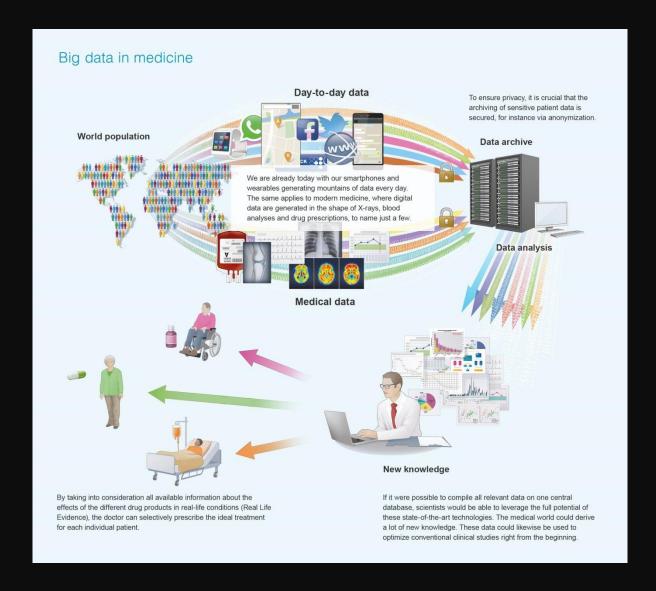
Techniques for Better Predictive Modeling and Analysis of Big Data

Second Edition

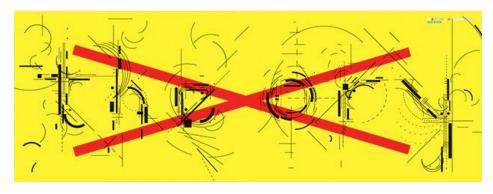


Bruce Ratner

CRC Press



Future of Science?



© Wired Magazine

"Correlation supersedes causation, and science can advance even without coherent models, unified theories, or really any mechanistic explanation at all."

Chris Anderson, Chief Editor, Wired Magazine

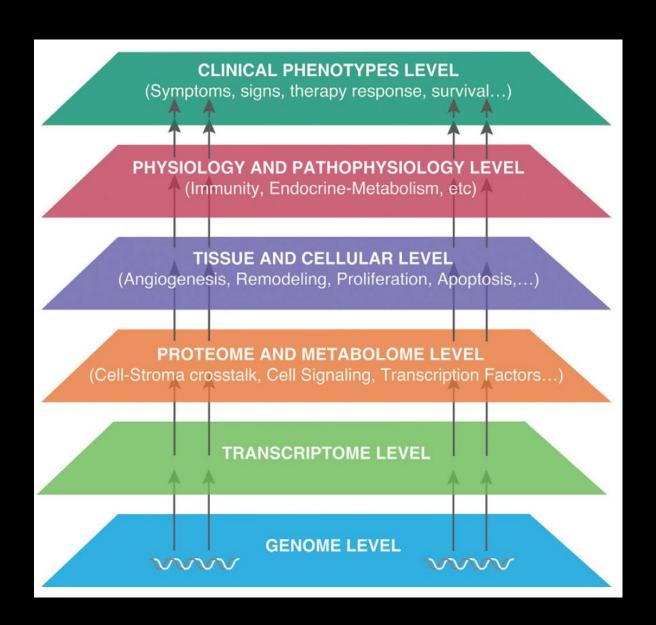
Big Data in Medicine

"Finding **new correlations** is expected to greatly contribute to the development of medicine [but] correlations suggested by the analysis of big data should be **validated through clinical studies**."

Kanda E (2015) Use of Big Data in Medicine, Ren Repl Ther 1:4

"Big data comes into play around aggregating more and more information around multiple scales for what constitutes a disease."

Eric Schadt Icahn Institute for Genomics and Multiscale Biology Mount Sinai Hospital, New York, USA



Blanco-Gomez A, et al. (2016) Bioessays 38: 664-673.

Das Gen-Orakel

Medizin Jahrelang suchten Forscher im Erbgut vergebens nach den Ursachen der großen Volkskrankheiten. Nun endlich melden sie Erfolge: Dank Auswertung Hunderttausender DNA-Tests gelingt es immer besser, das gesundheitliche Schicksal von Menschen vorherzusagen.

ieser Mann war anders als andere Männer. Nie zuvor hatte John Kauwe einen Menschen gesehen, der selbst in den großzügig bemessenen Sitzen der First Class seine Beine so iämmerlich zusammenfalten musch

Kauwe kam mit dem Riesen neben ihm ins Gespräch. Er hatte Shawn Bradley vor sich, der vor rund 20 Jahren als einer der größten Spieler der Basketballliga NBA für Furore gesorgt hatte. Bradley wiederum war erfreut, als sich sein Sitznachbar als Genetiker vorstellte. Ob Kauwe denn das Geheimnis seines Riesenwuchses (2,29 Meter) lüften könne, fragte er.

Aus der Flugzeugbekanntschaft wurde ein Forschungsprojekt. Inzwischen hat Kauwe veröffentlicht, was dabei herausgekommen ist: Das vermeintliche Geheinnis gibt es gar nicht. In Bradleys Erbgut findet sich keine Spur eines Goliathgens. Seine Erbanlagen sind normal, außergewöhnlich ist nur deren Mischung. Kauwe und seine Kollegen wiesen viele Hundert genetische Varianten nach, von denen jede Bradley ein klein wenig weiter aufschießen ließ. Zusammengenommen machten sie ihn übergroß.

Botschaften wie jene, die der Genforsschaften Kauwe im Erbgut des Basketballers fand, begegnen seinen Kollegen derzeit allerorten: Sie stellen fest, dass es nicht einzelne Genvarianten gibt, die uns aggressiv oder trübsinnig machen. Die viel beschworenen Intelligenz- oder Schwulengene: nichts als Phantome. Und auch für Herzinfarkt, Demenz oder Schizophrenie sind nicht bestimmte Erbanlagen verantwortlich

Die Erklärung: Gene wirken nicht einzeln, sie stehen in komplexem Wechselspiel miteinander. Jedes unserer Merkmale wird von Hunderten oder gar Tausenden Varianten im Erbgut bestimmt, und umgekehrt hat jedes Gen seinen Anteil an Hunderten unserer Eigenschaften.

Doch so verworren dieses Dickicht auch scheinen mag: Inzwischen beginnen Forscher vorzudringen ins genetische Wirkungsgeflecht. Zwar verstehen sie die Rolle all der zahllosen Gene und ihrer Varianten nicht, dazu sind deren Regelkreise viel zu verwirrend. Doch auch ohne ein wirkliches Verständnis gelingt es mit Computerhilfe, statistische Wahrscheinlichkeitsaussagen zu treffen, wie groß, wie klug oder wie gesund der Träger eines bestimmten Genoms vermutlich sein mag.

Sekar Kathiresan hat die Kunst der genetischen Kaffeesatzleserei weit vorangetrieben. Der Kardiologe vom Massachusetts General Hospital hat in »Nature Genetics« sogenante polygene Risikowerte
für fünf häufige Krankheiten vorgestellt.
Schon im Kindesalter kann er demnach
ma Erbgut ablesen, wie wahrscheinlich es
ist, dass ein Mensch dereinst einmal an
Diabetes Typ 2, an Arteriosklerose der
Herzkranzgefäße, an Brustkrebs, chronisch entzündlicher Darmerkrankung oder
an Vorhofflimmern leiden wird.

»Bald wird der Begriff ›polygenes Risiko so geläufig sein wie heute der Begriff ›Cholesterin«, prophezeit Kathiresan. In der Medizin der Zukunft werde die Prä-

Die genetische Wirklichkeit hat mit den mendelschen Regeln wenig zu tun.

vention im Mittelpunkt stehen, das Errechnen von Krankheitsrisiken bekomme da zentrale Bedeutung.

In einer Klinik für präventive Herzmedizin behandelt Kathiresan Menschen, die, oft geschockt vom unvermittelten Herztod naher Verwandter, nach Erklärungen suchen für den Schicksalsschlag. Bisher beruht unsere Anamnese auf drei Säulen«, sagt Kathiresan. »Erstens: Wir befragen die Leute nach ihren Gewohnheiten - also ob sie rauchen, was sie essen oder wie viel sie sich bewegen. Zweitens: Wir bestimmen ihre Blutfettwerte. Und drittens: Wir machen klinische Untersuchungen, mit EKG zum Beispiel, mit Angiografie oder mit Ultraschall.« Nun aber sei die Zeit reif, eine vierte Säule ins Gebäude der Medizin einzuziehen: die polygenen Risikowerte.

Ein Abgleich mit Patientendaten in zwei Bostoner Krankenhäusern gibt ein Gefühl für den Vorhersagewert: 20000 Krankenakten durchforsteten Kathiresan und seine Kollegen. Sie stellten dabei fest: Bei denjenigen Patienten, die einen Herzinfarkt erlitten hatten, war der polygene Risikowert im Vergleich zu anderen Patienten im Schnitt tatsächlich auf das Vierfache erböht.

Es setzt sich damit jetzt eine Form der Genetik durch, die sich maßgeblich unterscheidet von dem, was in den Schulen gelehrt wird. Seit vielen Jahrzehnten lernen die Schüler dort, mit dominanten und rezessiven Merkmalen zu hantieren und mit Stammbäumen, die aus Quadraten und Kreisen bestehen.

Als im Jahr 2000 die Entzifferung des menschlichen Genoms verkündet wurde. da schien es, als erlebten diese mendelschen Vererbungsregeln ihren ultimativen Triumph. Die Grundlage für ein genetisches Verständnis des Menschen sei gelegt; nun werde es nur noch 10, höchstens 15 Jahre dauern, bis der Schlüssel zur Behandlung großer Volksleiden wie Alzheimer und Diabetes gefunden sei, versprach Francis Collins, seinerzeit Leiter des »Human Genome Project«. Bei Diabetes Typ 2 zum Beispiel vermutete er. dass nur rund ein Dutzend Gene am Werk seien, die man nun im Handumdrehen dingfest machen werde.

Zehn Jahre später war Ernüchterung eingekehrt. Der medizinische Nutzen des Genomprojekts sei »fast gleich null«, sagte im SPIEGEL-Gespräch (26/2010) der nie um drastische Formulierungen verlegene Genforscher Craig Venter, der selbst eine der Schlüsselfiguren der Genomentzifferung gewesen war. »Jedermann hat erwartet, im Erbgut wundersame Ja-Nein-Antworten zu finden: ›Ja, Sie werden Krebs kriegen« Oder ›Nein, Sie werden keinen Krebs kriegen«. Aber so einfach ist es eben nicht«, sagte er.

Denn die genetische Wirklichkeit hat mit den mendelschen Regeln wenig zu tun. »Die sind in den meisten Fällen bloße Labor-Artefakte«, konstatiert der Genforscher Steven McCarroll von der Harvard-Universität. »Aber Mendel steckt eben tief in den Köpfen.«

Sehr viele Erkenntnisse seines Fachs beruhten auf Experimenten mit Labormäusen, erklärt McCarroll. Die aber seien durch langjährige Inzucht genetisch bei-



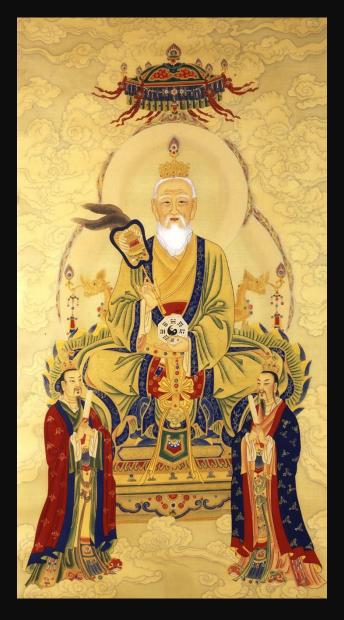
Wikimedia Commons

The Fall of Icarus Jacob Peter Gowy (1615-1661)

Medical Research Data Management

Status quo

- fragmented and inadequate research data management
- lack of institutionalized sustainability
- lack of cross-institutional transparency
- poor accessibility and usability of data from health care context
- lack of interoperability of data resources
- no common identity management



"A journey of a thousand miles begins with a single step." Laozi (604-531 B.C.)

Die Fakten

Wer wird gefördert?

Konsortien, denen mindestens zwei Universitätskliniken sowie ggf. weitere Partner (z. B. Forschungseinrichtungen, Hochschulen, Unternehmen, private Kliniken oder andere Träger der Gesundheitsversorgung) angehören

Was wird gefördert?

Konzeptphase (9 Monate):

Ausarbeitung von Konzepten für

- Datenaustausch und Datennutzung
- den Aufbau von Datenintegrationszentren
- konkrete Anwendungsfälle von nutzbringenden IT-Lösungen
- die zukunftsgerichtete Aufstellung der Medizininformatik in Forschung, Lehre und Weiterbildung

Aufbau- und Vernetzungsphase (4 Jahre):

- Aufbau von Datenintegrationszentren
- Entwicklung und Implementierung von IT-Lösungen für eine oder mehrere konkrete Anwendungen
- Förderung von Nachwuchsgruppen

Frist

31. März 2016: Einreichung von Anträgen für die Konzeptphase

Informationsveranstaltung

27. November 2015 im BMBF in Berlin

Weitere Informationen

→ www.gesundheitsforschung-bmbf.de/de/ medizininformatik.php



Kontakt

DLR Projektträger Gesundheitsforschung Heinrich-Konen-Straße 1 53227 Bonn Tel.: 0228-3821-1210 Fax: 0228-3821-1257 www.gesundheitsforschung-bmbf.de

Impressum

Herausgeber

Bundesministerium für Bildung und Forschung (BMBF) Referat Methoden- und Strukturentwicklung in den Lebenswissenschaften 11055 Berlin

Bestellungen

Publikationsversand der Bundesregierung Postfach 48 10 09, 18132 Rostock E-Mail: publikationen@bundesregierung.de Internet: http://www.bmbf.de oder per Tel: 030 18 272 272 1 Fax: 030 18 10 272 272 1

Stand

November 2015

Druck

W. Bertelsmann Verlag, Bielefeld

Gestaltun

W. Bertelsmann Verlag, Bielefeld; Christiane Zay

Bildnachwei

außen: iStock, Squaredpixels; Presse- und Informationsamt der Bundesregierung, Steffen Kugler: (Porträt Prof. Dr. Johanna Wanka); innen: Getty, Ariel Skelley; shutterstock, sfam_photo

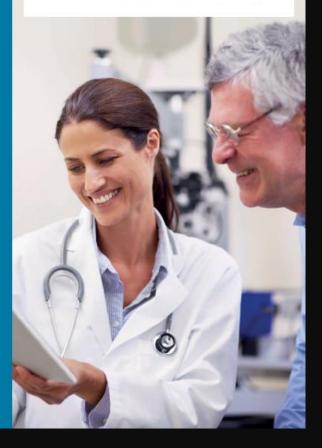
Dieser Flyer ist Teil der Öffentlichkeitsarbeit des Bundesministeriums für Bildung und Forschung, er wird kostenlos abgegeben und ist nicht zum Verkauf bestimmt.

www.bmbf.de



Förderkonzept Medizininformatik

Daten vernetzen - Gesundheitsversorgung verbessern



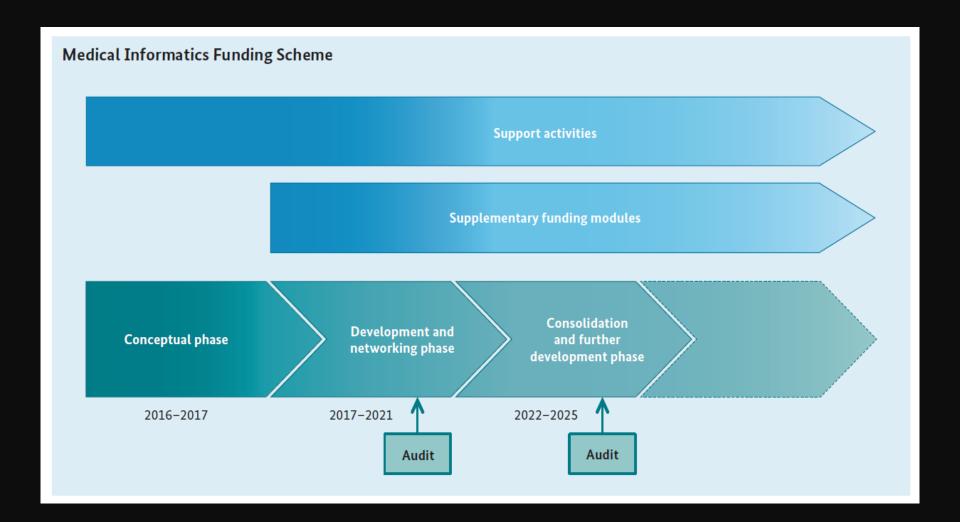
BMBF Funding Scheme "Medical Informatics"

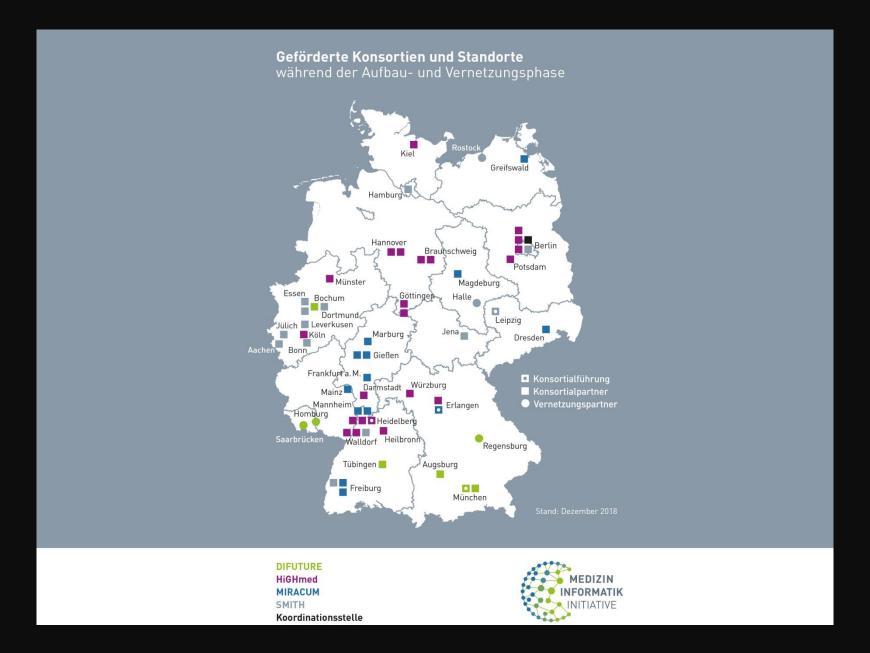
Federal Ministry of Education and Research

SPONSORED BY THE

Goals

- data exchange between, and joint data usage by, research and clinical care
- integration of data beyond the confines of individual institutions and locations
- improvement of both, medical research capabilities and clinical care
- strengthening of medical informatics in research, education and training





Summary

- Use of big data in medical research may be a sensible supplement of, but not a substitute for, hypothesis-driven and carefully designed scientific studies.
- Medical research depends upon the availability and usability of structured, high quality patient-related data (be they big or small)!
- Medical data integration in Germany is currently boosted notably by a large governmental funding scheme (the 'Medical Informatics Initiative').



"Are we there yet?"